



(<https://escoladeproteomica2.brprot.com.br>)

Área Restrita
(<https://escoladeproteomica2.brprot.com.br/index.php/area-restrita/>)

II Escola de Proteômica da Sociedade Brasileira de Proteômica (BrProt), II Escola de Metabolômica Integrada e evento satélite HPMI (Host-Pathogen Interaction Meeting)

Programação Metabolômica

Como parte das atividades pré-congresso, seis laboratórios situados em Fortaleza UFC (Deptos. Bioquímica Biol. Mol., Engenharia de Pesca e NPDM), UNIFOR, FIOCRUZ, e EMBRAPA Agroindústria Tropical), que dispõem de diferentes tipos de espectrômetros de massas, irão oferecer para um número limitado de participantes demonstrações práticas do uso dos respectivos equipamentos. Estas demonstrações incluirão calibração positiva, otimização dos parâmetros da fonte, montagem de sequência, demonstração de métodos, além da injeção de amostras padrão. Também será abordada a resolução de problemas comuns, bem como uma demonstração de análise de dados.

Fiocruz: O curso fornecerá uma demonstração prática da caracterização de biofármacos utilizando espectrometria de massas por Orbitrap, detalhando os principais passos, desde o preparo das amostras (proteínas intactas, reduzidas, deglicosiladas e digeridas) até a aquisição e análise de dados.

Unifor: Curso prático para o preparo e análise de amostras complexas de plasma humano utilizando o espectrômetro de massas SYNAPT XS HDMS, destacando etapas como digestão triptica, separação por nanoUPLC, aquisição de dados e análise proteômica para a prospecção de biomarcadores.

Núcleo de Pesquisa e Desenvolvimento de Medicamentos (UFC). O curso vai apresentar boas práticas para otimizar o desempenho do espectrômetro de massas Q Exactive Plus, abordando desde a calibração e análise de amostras até a resolução de problemas e análise de dados, visando garantir resultados confiáveis e reprodutíveis.

EMBRAPA. O curso sobre o sistema UPLC-ESI-QTOF/MS (Waters) abordará a análise metabolômica, incluindo o preparo de amostras, o funcionamento dos módulos do sistema, o uso do software MassLynx, a injeção de extratos vegetais e análises quimiométricas para a identificação de biomarcadores.

Departamento de Bioquímica e Biologia Molecular (UFC). O roteiro de demonstração prática sobre a extração e identificação de metabolitos primários por cromatografia gasosa acoplada a espectrometria de massas (GC-MS) visa ensinar técnicas de extração, processamento e identificação de metabolitos de material biológico vegetal, utilizando o software Xcalibur 2.0 e análises multivariadas na plataforma MetaboAnalyst.

Engenharia de Pesca (UFC). A demonstração prática do espectrômetro de massas SYNAPT HDMS, que não possui cromatógrafo acoplado, abordará suas aplicações em proteômica, incluindo ionização de amostras, calibração, cálculo de massas, deconvolução de espectros e sequenciamento manual de peptídeos, proporcionando uma visão interativa das capacidades analíticas do equipamento.

29/09 DE 2025

08:00 – 18:00

Demonstração prática pré-escola com **laboratórios da Unifor, UFC e Fiocruz.**

Escola de Metabolômica (Local: Auditório Bloco H) (<https://maps.app.goo.gl/BfEbbmiWceNsS6aK8>)
(<https://maps.app.goo.gl/BfEbbmiWceNsS6aK8>)

30/09 DE 2025		
08:00 – 09:00	CREDENCIAMENTO (Local: Hall do Bloco D) https://maps.app.goo.gl/y7tDHAz7pkDps9TD7 (https://maps.app.goo.gl/y7tDHAz7pkDps9TD7)	
09:00 – 09:30	Boas-vindas e apresentação do evento (Local: Teatro Celina Queiroz – Bloco T) https://maps.app.goo.gl/HxNfpJ5daNbpmoTP9 (https://maps.app.goo.gl/HxNfpJ5daNbpmoTP9)	
09:30 –	Apresentação da escola de metabolômica – Alan Pilon (UNESP), Ian Castro (UNESP) e Marina Amaral (UFRJ) (Local: Auditório Bloco H) https://maps.app.goo.gl/BfEbbmiWceNsS6aK8 (https://maps.app.goo.gl/BfEbbmiWceNsS6aK8)	
09:30 – 10:20	AULA 1 Alan Pilon (UNESP) Gisele Canuto (UFBA) Marina Amaral (UFRJ)	<i>Preparo de amostra</i>
10:20 – 11:00	AULA 2 Edenir Pereira Filho (UFSCar)	<i>Introdução ao planejamento fatorial: importância e conceitos básicos</i>
11:00 – 11:30	COFFEE-BREAK (1) (Local: Hall do Bloco D) https://maps.app.goo.gl/y7tDHAz7pkDps9TD7 (https://maps.app.goo.gl/y7tDHAz7pkDps9TD7)	
11:30 – 12:30	AULA 3 Edenir Pereira Filho (UFSCar)	Planejamento fatorial completo e estudo de caso 1
12:30 – 14:00	ALMOÇO	
14:00 – 15:15	AULA 4 Edenir Pereira Filho (UFSCar)	Planejamento fatorial fracionário e estudo de caso 2
15:15 – 16:30	AULA 5 Edenir Pereira Filho (UFSCar)	Proposição de modelos de regressão e estudo de caso 3

16:30 – 18:00	METABOLOMICS SCHOOL – POSTER SESSION AND COFFEE-BREAK (2) (Local: Hall do Bloco D) https://maps.app.goo.gl/y7tDHAz7pkDps9TD7 (https://maps.app.goo.gl/y7tDHAz7pkDps9TD7)
---------------	--

01/10 DE 2025

(Local: Auditório Bloco H) <https://maps.app.goo.gl/BfEbbmiWceNsS6aK8n>
(<https://maps.app.goo.gl/BfEbbmiWceNsS6aK8n>)

09:00 – 10:00	AULA 2 Ricardo Silva (USP)	Análise de dados básica/ Quimiometria
10:00 – 10:30	COFFEE-BREAK (3) (Local: Hall do Bloco D) https://maps.app.goo.gl/y7tDHAz7pkDps9TD7 (https://maps.app.goo.gl/y7tDHAz7pkDps9TD7)	
10:30 – 11:00	Waters Título: Do Metabólito ao Mapa: Explorando Territórios Químicos em Alta Resolução Palestrante Mariana Fioramonte	
11:00 – 12:30	AULA 2 Ricardo Silva (USP)	Análise de dados básica/ Quimiometria
12:30 – 14:00	ALMOÇO	
14:00 – 16:30	AULA 2 Ricardo Silva (USP)	Análise de dados básica/ Quimiometria
16:30 – 17:00	COFFEE-BREAK (3) (Local: Hall do Bloco D) https://maps.app.goo.gl/y7tDHAz7pkDps9TD7 (https://maps.app.goo.gl/y7tDHAz7pkDps9TD7)	
17:00 – 18:00	AULA 2 Ricardo Silva (USP)	Análise de dados básica/ Quimiometria

REALIZAÇÃO



© 2025 BrProt Sociedade Brasileira de Proteômica Política de Privacidade(<https://escoladeproteomica2.brprot.com.br/politica-de-privacidade/>)
Termos de Uso(<https://escoladeproteomica2.brprot.com.br/termos-de-uso/>)

Desenvolvido por **BT Design** (<https://btdesign.com.br>)