



(<https://escoladeproteomica2.brprot.com.br>)

Área Restrita
(<https://escoladeproteomica2.brprot.com.br/index.php/area-restrita/>)

II Escola de Proteômica da Sociedade Brasileira de Proteômica (BrProt), II Escola de Metabolômica Integrada e evento satélite HPMI (Host-Pathogen Interaction Meeting)

Programação Proteômica

Como parte das atividades pré-congresso, seis laboratórios situados em Fortaleza UFC (Deptos. Bioquímica Biol. Mol., Engenharia de Pesca e NPDM), UNIFOR, FIOCRUZ, e EMBRAPA Agroindústria Tropical), que dispõem de diferentes tipos de espectrômetros de massas, irão oferecer para um número limitado de participantes demonstrações práticas do uso dos respectivos equipamentos. Estas demonstrações incluirão calibração positiva, otimização dos parâmetros da fonte, montagem de sequência, demonstração de métodos, além da injeção de amostras padrão. Também será abordada a resolução de problemas comuns, bem como uma demonstração de análise de dados.

Fiocruz: O curso fornecerá uma demonstração prática da caracterização de biofármacos utilizando espectrometria de massas por Orbitrap, detalhando os principais passos, desde o preparo das amostras (proteínas intactas, reduzidas, deglicosiladas e digeridas) até a aquisição e análise de dados.

Unifor: Curso prático para o preparo e análise de amostras complexas de plasma humano utilizando o espectrômetro de massas SYNAPT XS HDMS, destacando etapas como digestão triptica, separação por nanoUPLC, aquisição de dados e análise proteômica para a prospecção de biomarcadores.

Núcleo de Pesquisa e Desenvolvimento de Medicamentos (UFC). O curso vai apresentar boas práticas para otimizar o desempenho do espectrômetro de massas Q Exactive Plus, abordando desde a calibração e análise de amostras até a resolução de problemas e análise de dados, visando garantir resultados confiáveis e reproduzíveis.

EMBRAPA. O curso sobre o sistema UPLC-ESI-QTOF/MS (Waters) abordará a análise metabolômica, incluindo o preparo de amostras, o funcionamento dos módulos do sistema, o uso do software MassLynx, a injeção de extratos vegetais e análises quimiométricas para a identificação de biomarcadores.

Departamento de Bioquímica e Biologia Molecular (UFC). O roteiro de demonstração prática sobre a extração e identificação de metabolitos primários por cromatografia gasosa acoplada a espectrometria de massas (GC-MS) visa ensinar técnicas de extração, processamento e identificação de metabolitos de material biológico vegetal, utilizando o software Xcalibur 2.0 e análises multivariadas na plataforma MetaboAnalyst.

Engenharia de Pesca (UFC). A demonstração prática do espectrômetro de massas SYNAPT HDMS, que não possui cromatógrafo acoplado, abordará suas aplicações em proteômica, incluindo ionização de amostras, calibração, cálculo de massas, deconvolução de espectros e sequenciamento manual de peptídeos, proporcionando uma visão interativa das capacidades analíticas do equipamento.

29/09 DE 2025	
08:00 – 18:00	Demonstração prática pré-escola com laboratórios da Unifor, UFC e Fiocruz.

Escola de Proteômica (Local: Teatro Celina Queiroz – Bloco T)

<https://maps.app.goo.gl/HxNfpJ5daNbpmoTP9> (<https://maps.app.goo.gl/HxNfpJ5daNbpmoTP9>)

30/09 DE 2025		
08:00 – 09:00	CREENCIAMENTO (Local: Hall do Bloco D) https://maps.app.goo.gl/y7tDHAz7pkDps9TD7 (https://maps.app.goo.gl/y7tDHAz7pkDps9TD7)	
09:00 – 09:30	Boas-vindas e apresentação do evento (Local: Teatro Celina Queiroz – Bloco T) https://maps.app.goo.gl/HxNfpJ5daNbpmoTP9 (https://maps.app.goo.gl/HxNfpJ5daNbpmoTP9)	
09:30 – 10:15	ABERTURA Gilberto B. Domont (UFRJ) Chair: Giuseppe Palmisano	<i>O passado, presente e o futuro da proteômica</i>
10:15 – 11:00	AULA 1 Tema: Preparo de amostras Chair: Fabio C. S. Nogueira Adriana P. Leme (LNBio) Ana Gisele Ferreira (Fiocruz-RJ) Giuseppe Palmisano (USP) Fabio C. S. Nogueira (UFRJ)	<i>Preparo de amostras em proteômica (parte I)</i>
11:00 – 11:30	COFFEE-BREAK (1) (Local: Hall do Bloco D) https://maps.app.goo.gl/y7tDHAz7pkDps9TD7 (https://maps.app.goo.gl/y7tDHAz7pkDps9TD7)	
11:30 – 12:30	AULA 1 Tema: Preparo de amostras Chair: Fabio C. S. Nogueira Adriana P. Leme (LNBio) Ana Gisele Ferreira (Fiocruz-RJ) Giuseppe Palmisano (USP) Fabio C. S. Nogueira (UFRJ)	<i>Preparo de amostras em proteômica (parte II)</i>
12:30 – 14:00	ALMOÇO	

14:00 – 15:15	AULA 2 Tema: Começando do Início Chair: Thiago Verano-Braga Donat Alexander de Chapeaurouge (Fiocruz) Thiago Verano-Braga (UFMG)	<i>Princípios da espectrometria de massa aplicada a proteômica</i>
15:15 – 16:30	AULA 3 Tema: Espectrometria de Massa Chair: Alexandre Tashima Alexandre Tashima (Unifesp) Magno Junqueira (UFRJ)	<i>Interpretando um espectro de massa, um “hands on”</i>
16:30 – 18:00	PROTEOMIC SCHOOL – POSTER SESSION AND COFFEE-BREAK (2) (Local: Hall do Bloco D) https://maps.app.goo.gl/y7tDHAz7pkDps9TD7 https://maps.app.goo.gl/y7tDHAz7pkDps9TD7	

01/10 DE 2025

Local: Auditório da Biblioteca central (<https://maps.app.goo.gl/Ca8ugPDdAvc31bQLA>)
(<https://maps.app.goo.gl/Ca8ugPDdAvc31bQLA>)

09:00 – 10:00	AULA 4 Tema: Bioinformática Chair: Alexandre Tashima Veit Schwammle (SDU) Alexandre Tashima (Unifesp)	<i>Processamento de dados de espectrometria de massa, busca em banco de dados e softwares quantitativos.</i>
10:00 – 10:30	COFFEE-BREAK (3) (Local: Hall do Bloco D) https://maps.app.goo.gl/y7tDHAz7pkDps9TD7 https://maps.app.goo.gl/y7tDHAz7pkDps9TD7	

10:30 – 12:30	AULA 5 Tema: Análise de dados Hands on Chair: Graziella E. Ronsein (USP) Graziella E. Ronsein (USP) Fabio C. S. Nogueira (UFRJ) Flavia Winck (USP) Giuseppe Palmisano (USP)	Análise de dados <i>Hands on</i> (parte I)
12:30 – 14:00	ALMOÇO	
14:00 – 16:00	AULA 6 Tema: Análise de dados Hands on Chair: Graziella E. Ronsein (USP) Fabio C. S. Nogueira (UFRJ) Flavia Winck (USP) Giuseppe Palmisano (USP)	Análise de dados <i>Hands on</i> (parte II)
16:00 – 16:30	AULA 7 Tema: Enriquecimento de vias Chair: Graziella E. Ronsein (USP) Flavia Winck (USP) Adriana Paes Leme (LNBio)	Análise de dados <i>Hands on</i>
16:30-17:00	COFFEE-BREAK (3) (Local: Hall do Bloco D) https://maps.app.goo.gl/y7tDHAz7pkDps9TD7 (https://maps.app.goo.gl/y7tDHAz7pkDps9TD7)	
17:00 – 18:00	AULA 8 Tema: Proteômica Estrutural (PPI) Chair: Fabio Gozzo Fabio Gozzo (Unicamp) Ana Gisele Ferreira (Fiocruz-RJ)	Análise de dados em <i>Proteômica Estrutural</i> baseada em técnicas de <i>crosslinking</i> e <i>HDX (Hydrogen deuterium Exchange)</i>

R E A L I Z A Ç Ã O



© 2025 BrProt Sociedade Brasileira de Proteômica Política de Privacidade(<https://escoladeproteomica2.brprot.com.br/politica-de-privacidade/>)
Termos de Uso(<https://escoladeproteomica2.brprot.com.br/termos-de-uso/>)

Desenvolvido por **BT Design** (<https://btdesign.com.br>)